

Mentype® AMLplus Profiler

Mentype® AMLplus Profiler ist eine Auswertungssoftware, die zusammen mit dem Mentype® AMLplus Mutation Analysis Kit von BIOTYPE GmbH verwendet wird. Exportdaten aus dem GeneMapper™ 6.1 oder GeneMapper™ ID-X 1.6 (Thermo Fisher Scientific) werden vom Profiler in standardisierte PDF/TXT-Befundberichte umgewandelt. Die Software läuft ausschließlich lokal auf dem Arbeitsrechner des Labors, ein Serverbetrieb oder Netzwerkzugriff ist nicht erforderlich.

Das Wichtigste auf einem Blick	
Einzelplatzsoftware ohne Serverkomponente	Kein Applikationsserver, kein Datenbankserver, kein Dienst.
Kein Netzwerkzugriff erforderlich	Die Software kommuniziert nicht nach außen und benötigt keine Internetverbindung. Es werden weder ein Webserver noch ein Netzwerkport benötigt.
Keine Patientendaten	Verarbeitet nur numerische Fragmentanalysedaten, kein Bezug zu personenbezogenen Daten.
Kein Virenschanner-Ausschluss notwendig	Gängige AV-Software verursacht in der Regel keine Konflikte.
Lokaler Admin genügt	Der Installer schreibt in Programme-Verzeichnis und Registry, keine gruppenweite Ausrollung oder Domänen-Administrator notwendig.
Keine Silent-Installation/GPO notwendig	Standardinstallation per Setup-Assistent (GUI).
Keine Online-Aktivierung oder Lizenzierung	Den physischen Kits liegen ein Link sowie das Passwort für den Download des Installers bei. Ein Internetzugang ist nur für den Download der Software erforderlich, die Installation selbst läuft im Offlinemodus ab.
Saubere Deinstallation	Bei Deinstallation über die Windows-Funktion „Programme und Features“ werden keine Dienste oder Treiber hinterlassen.

Systemvoraussetzungen (Freigabe Checkliste) *Bitte vor der Installation prüfen und abhaken*

- | | |
|---|--|
| ☐ Betriebssystem: | Windows 11 (64-bit) |
| ☐ Prozessor: | Intel Core i5/ AMD Ryzen 5 oder besser |
| ☐ Arbeitsspeicher (RAM): | Mindestens 2 GB |
| ☐ Festplattenspeicherplatz: | Mindestens 500 MB frei (Installation + Ausgabedateien) |
| ☐ Bildschirmauflösung: | 1920 × 1080 oder höher |
| ☐ PDF-Viewer: | Adobe Acrobat Reader oder gleichwertig |
| ☐ GeneMapper™ 6.1/
GeneMapper™ ID-X 1.6 Software: | Bereits installiert und in Betrieb |
| ☐ Lokale Admin-Rechte: | Für die Installation verfügbar |
| ☐ Schreibrechte: | Benutzer hat Schreibrechte auf gewünschtem Ausgabeordner |

Hinweis: Bitte Systemvoraussetzungen vor Installation mit aktuellen Angaben im Produktdatenblatt abgleichen

Datenzugriff und Speicherorte

Eingabe:	GeneMapper™ 6.1 oder GeneMapper™ ID-X 1.6 Exportdatei (TXT); vom Benutzer manuell ausgewählt. Die Software besitzt keinen automatischen Ordnerzugriff
Ausgabe:	Befundberichte als PDF und standardisierte TXT-Datei zur optimalen Weiterverwendung in LIMS-Systemen. Der Speicherort kann vom Benutzer frei gewählt werden.
Kein Schreiben außerhalb des Benutzerordners	Außer dem Installationsverzeichnis keine systemweiten Schreibzugriffe im Betrieb.

Bei technischen Fragen zur Installation steht Ihnen unser Support-Team unter support@biotype.de gerne zur Verfügung.